



# **BioInfo**



Niveau d'étude BAC +2



ECTS
2 crédits



# Présentation

biologiques pour la compréhension d'un projet

- Recherche d'informations scientifiques et de données

#### **Description**

- 1- Base du linux (1,5h CM + 3hTD) : Les commandes de bases pour naviguer sous linux et comprendre la logique de ce langage. Petits exercices d'extractions d'informations en bash/shell. Élément repris pour l'analyse des fichiers d'alignement.
- 2- Base de données (3h CM + 4,5hTD): connaître les principales base de données bibliographiques et biologiques (NCBI, Ensembl, Galaxie...). Savoir faire les requêtages pertinents et efficaces, exploiter, trier, description des différents formats
- 3- Analyse de séquences (1,5hCM + 4,5H TD) : Alignement et comparaison de séquences avec une petite introduction à la phylogénie (dot plot, Blast ...)

## **Objectifs**

- Bases sur les outils informatiques indispensables de nos jours en biologie
- Apprentissage de l'utilisation d'un langage commun de requêtage (bases)
- Analyses et extractions de données biologiques mises à dispositions de la communauté scientifique sur le web

### Pré-requis nécessaires

Certification PIX (L1-S2 ou L2-S3)

